



不同统计模型在农业科学数据分析中的应用

——VSNC 农业数据分析交流会（兰州专场）

随着农业科研水平的不断提高，科研工作者越来越重视对科研数据的准确分析。优良的模型能够准确地解释数据背后的原因，从而高效地指导后续科研及生产实践工作。

作为全球领先的农业统计分析服务公司，VSN 国际公司（VSNI）与世界著名农业研究中心英国洛桑试验站（Rothamsted Research）以及瓦赫宁根大学（Wageningen UR）的科学家们共同合作，致力于为全球农业科研人员提供最专业的技术服务和统计分析工具。北京维斯恩思软件有限责任公司(VSN China) 作为 VSNI 在华子公司，应邀于 2016 年 8 月 20 日在兰州大学举办 VSNC 农业数据分析交流会，会上将主要结合农业科研领域前沿案例，重点介绍不同统计模型在农业科学数据分析中的应用，包括如何清洗数据、如何有效进行试验设计、科学的缺失值处理方法，如何选择合适的模型和分析方法。此外，会上还将介绍 SCI 文章中常见的高级模型，如基因与环境互动、遗传和表型相关分析（包含系谱数据）和全基因组选择（GS）等进行讲解。

交流会将围绕理论知识讲解+实例分析演示+上机操作+问题解答的形式开展，参会者可针对自己关心的问题与主讲老师进行交流探讨。欢迎感兴趣的各位老师和同学们带着自己的统计问题报名参加！

【培训时间及地点】

培训时间：2016 年 8 月 20 日（星期六）（9:30-12:00,14:00-17:00）

培训地点：兰州大学草地农业科技学院碧野楼四楼报告厅

【主讲人】

北京维斯恩思软件有限责任公司 邓飞 技术经理

【注意事项】

- 1 请各位老师同学自备笔记本电脑，并在中午前提前安装好软件，方便上机操作练习。
- 2 本次学术活动为公益性活动。

【20日 workshop 日程安排】

时间		内容
上午 (理论知识+ 案例解析)	9:30-10:30	数据的准备、异常值处理及探索性分析
		如何进行试验设计及注意事项
		方差分析常见问题及解决方法
		如何处理和分析缺失值
	10:30-11:00	休息交流
	11:00-12:00	如何利用基因与环境互作 (AMMI、GGE Biplot)
		如何利用系谱数据进行个体模型分析
		全基因组选择 (GS) 的优势及实现
数据分析问题探讨+下午上机操作登记		
-----		午休
下午 (上机操作)	14:00-15:30	数据预处理、异常值处理、探索性分析
		案例操作：试验设计及分析方法解析
		如何估计缺失值，处理缺失值
	15:30-16:00	休息交流
	16:00-17:00	基因与环境互作分析方法
		多性状 (系谱) 数据分析
		GBLUP 和 GS 的上机操作
		数据分析问题探讨

【报名方式】

有意向参加学术交流会的老师和同学们请于8月15日前将报名回执表发送至邮箱：China@vsni.co.uk。您可以将您的数据分析问题发给我们，我们会在学术交流会上选择老师们关注的问题进行探讨。

【报名联系人】

联系人：张娟，孙美洲 010-62680244，010-88400822，18201280067

邮箱：China@vsni.co.uk

公司网址：www.vsn.com.cn

北京维斯恩思软件有限责任公司

2016年7月15日



交流会报名表

请您认真填写下列表格，我们将在收到您的申请后 1-2 个工作日内与您沟通。感谢您的信任与支持！参加交流会可获赠 GenStat/ASReml 试用版授权！

姓名	
单位机构全称	
研究方向	
期望学习功能 ()	A 试验设计 B 方差分析 C 数据探索性分析 D 回归分析 E 多元分析 F 空间分析 G REML 混合线性模型 H 动物模型 I 父本模型 J 全同胞半同胞分析 K 联合方差分析 L 估计育种值、 M 完全不完全双列杂交 N 主成分分析 (PCA) O 冗余分析 (RDA) P 计算遗传率及遗传相关 Q 品种稳定性分析 R 基因与环境互作 S 双标图 (AMMI、GGE) T 全基因组选择 (GS) U 全基因组关联分析 (GWAS)
使用过的分析软件	
是否学习过 R 语言	
邮箱	
电话	
方便联系的时间	

备注:

1. 后期培训软件是以邮件的形式发放，请您务必填写准确且常用的邮箱！
2. 填写完毕后，请于 8 月 15 日前将表格发送至 China@vsni.co.uk.
3. 填写完此表格代表您将尊重本软件的知识产权，培训版仅供了解软件功能。
4. 草地农业科技学院老师和同学们请携带安装正版软件的电脑参加培训交流